



SEQUENCE LISTING

<110> Ahmad, Sultan
Heffert, Cyrla
O'Donnell, Debra
Leibert, Martin
Walker, Philippe

<120> Receptor

<130> 7567/73170

<140> 09/647,481

<141> 2000-09-18

<160> 8

<170> Patent in version 3.1

<210> 1

<211> 400

<212> PRT

<213> Rat is nervous

<400> 1

Met Glu Ser Gly Leu Leu Arg Pro Ala Pro Val Ser Glu Val Ile Val
1 5 10 15

Leu His Tyr Asn Tyr Thr Gly Lys Leu Arg Gly Ala Arg Tyr Gln Pro
20 25 30

Gly Ala Gly Leu Arg Ala Asp Ala Ala Val Cys Leu Ala Val Cys Ala
35 40 45

Phe Ile Val Leu Glu Asn Leu Ala Val Leu Leu Val Leu Gly Arg His
50 55 60

Pro Arg Phe His Ala Pro Met Phe Leu Leu Leu Gly Ser Leu Thr Leu
65 70 75 80

Ser Asp Leu Leu Ala Gly Ala Ala Tyr Ala Thr Asn Ile Leu Leu Ser
85 90 95

Gly Pro Leu Thr Leu Arg Leu Ser Pro Ala Leu Trp Phe Ala Arg Glu
100 105 110

Gly Gly Val Phe Val Ala Leu Ala Ala Ser Val Leu Ser Leu Leu Ala
115 120 125

Ile Ala Leu Ser Arg His Leu Thr Met Ala Ala Arg Lys Ile Ala Ile
130 135 140

RECEIVED
AUG 15 2003
TECH CENTER 1600/2900

Ala Ala Ser Arg Ala Arg Thr Leu Ala Met Ala Val Ala Ala Thr Gly
181 182 183 184 185 186 187 188 189 190 191 192

Leu Ser Leu Leu Leu Gly Leu Leu Ser Ala Leu Arg Thr Asn Cys Leu
193 194 195 196 197 198 199 200 201 202 203 204

Gly Arg Leu Glu Ala Cys Ser Thr Val Leu Phe Leu Tyr Ala Lys Ala
205 206 207 208 209 210 211 212 213 214 215 216

Tyr Val Leu Phe Cys Val Leu Ala Phe Leu Gly Ile Leu Ala Ala Ile
217 218 219 220 221 222 223 224 225 226 227 228

Cys Ala Leu Tyr Ala Arg Ile Tyr Cys Glu Val Arg Ala Asn Ala Arg
229 230 231 232 233 234 235 236 237 238 239 240

Arg Leu Arg Ala Gly Phe Gly Ser Arg Arg Ala Thr Ser Ser Ser Arg
241 242 243 244 245 246 247 248 249 250 251 252

Ser Arg His Thr Pro Arg Ser Leu Ala Leu Leu Arg Thr Leu Ser Val
253 254 255 256 257 258 259 260 261 262 263 264

Val Leu Leu Ala Phe Val Ala Cys Thr Gly Phe Leu Phe Leu Leu Leu
265 266 267 268 269 270 271 272 273 274 275 276

Leu Leu Asp Val Ala Cys Pro Ala Arg Ala Cys Pro Val Leu Leu Glu
277 278 279 280 281 282 283 284 285 286 287 288

Ala Asp Pro Phe Leu Gly Leu Ala Met Ala Asn Ser Leu Leu Asn Pro
289 290 291 292 293 294 295 296 297 298 299 300

Ile Ile Tyr Thr Phe Thr Asn Arg Asp Leu Arg His Ala Leu Leu Arg
301 302 303 304 305 306 307 308 309 310 311 312

Leu Leu Cys Cys Gly Arg Gly Pro Cys Asn Gln Asp Ser Ser Asn Ser
313 314 315 316 317 318 319 320 321 322 323 324

Leu Gln Arg Ser Pro Ser Ala Val Gly Pro Ser Gly Gly Gly Leu Arg
325 326 327 328 329 330 331 332 333 334 335 336

Arg Cys Leu Pro Pro Thr Leu Asp Arg Ser Ser Ser Pro Ser Glu His
337 338 339 340 341 342 343 344 345 346 347 348

Ser Cys Pro Gln Arg Asp Gly Met Asp Thr Ser Cys Ser Thr Gly Ser
349 350 351 352 353 354 355 356 357 358 359 360

Pro Gly Ala Ala Thr Ala Asn Arg Thr Leu Val Pro Asp Ala Thr Asp
361 362 363 364 365 366 367 368 369 370 371 372

<210> 1
 <211> 1203
 <212> DNA
 <213> *Rattus norvegicus*

<410> 1
 attatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg 60
 tttatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg 120
 ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg ggtatattatg 180
 atgttggtatg atgttggtatg atgttggtatg atgttggtatg atgttggtatg 240
 tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg 300
 tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg 360
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 420
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 480
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 540
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 600
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 660
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 720
 tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg tgggttggtatg 780
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 840
 ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg ggttggtatg 900
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 960
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 1020
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 1080
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 1140
 ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg ttgttggtatg 1200
 tga 1203

<210> 3
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> *Rattus norvegicus*

<400> 3
 attatattatg ggtatattatg ta 22

<210> 4
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> *Rattus norvegicus*

<400> 4
 GATTAGGAGG GATTAGGAGG 19

<410> 4
 <411> 10
 <412> 100
 <413> Rattus norvegicus

<420> 5
 GATTAGGAGG GATTAGGAGG 20

<430> 6
 <431> 10
 <432> 100
 <433> Rattus norvegicus

<440> 6
 GATTAGGAGG GATTAGGAGG 19

<450> 7
 <451> 10
 <452> FRT
 <453> Mus musculus

<460> 7

Met Val Ser Thr Ser Ile Pro Glu Val Lys Ala Leu Arg Ser Ser Val
 1 5 1 15

Ser Asp Tyr Gly Asn Tyr Asp Ile Ile Val Arg His Tyr Asn Tyr Thr
 20 25 30

Gly Lys Leu Asn Ile Gly Ala Glu Lys Asp His Gly Ile Lys Leu Thr
 35 40 45

Ser Val Val Phe Ile Leu Ile Cys Cys Phe Ile Ile Leu Glu Asn Ile
 50 55 60

Phe Val Leu Leu Thr Ile Trp Lys Thr Lys Lys Phe His Arg Pro Met
 65 70 75 80

Tyr Tyr Phe Ile Gly Asn Leu Ala Leu Ser Asp Leu Leu Ala Gly Val
 85 90 95

Ala Tyr Thr Ala Asn Leu Leu Leu Ser Gly Ala Thr Thr Tyr Lys Leu
 100 105 110

Thr Pro Ala Ala Trp Ile Leu Arg His Gly Ser Met Phe Val Ala Leu
 115 120 125

Ser Ala Ser Val Phe Ser Leu Leu Ala Ile Ala Ile Glu Arg Tyr Ile
 130 135 140

Thr Met Leu Lys Met Lys Leu His Asn Gly Ser Asn Ser Ser Arg Ser
14 15 16 17 18 19

His Leu Leu Leu Ser Ala Tyr Arg Val Leu Ser Ser Leu Ile Leu Lys Lys
20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30

Leu Pro Ser Met Gly Trp Asn Cys Ile Ser Ser Leu Ser Ser Cys Ser
31 32 33 34 35 36 37 38 39 40 41 42

His Met Leu Trp Leu Tyr His Lys His Tyr Ile Leu Phe Cys Thr Thr
43 44 45 46 47 48 49 50 51 52 53 54

Val Phe Thr Leu Leu Leu Leu Ser Ile Ala Ile Leu Tyr Cys Asn Ile
55 56 57 58 59 60 61 62 63 64 65 66

Tyr Ser Ser Val Asn Thr Asn Ser Asn Asn Leu Thr Phe Arg Lys Asn
67 68 69 70 71 72 73 74 75 76 77 78

Ile Ser Lys Gly Ser Arg Ser Ser Glu Lys Ser Leu Ala Leu Leu Lys
79 80 81 82 83 84 85 86 87 88 89 90

Thr Val Ile Ile Val Leu Ser Val Phe Ile Ala Cys Trp Ala Pro Leu
91 92 93 94 95 96 97 98 99 100 101 102

Phe Ile Leu Leu Leu Leu Asp Val Gly Cys Lys Ala Lys Thr Cys Asp
103 104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114

Ile Leu Tyr Lys Ala Glu Tyr Phe Leu Val Leu Ala Val Leu Asn Ser
115 116 117 118 119 120 121 122 123 124 125 126

Gly Thr Asn Pro Ile Ile Tyr Thr Leu Thr Asn Lys Glu Met Arg Arg
127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138

Ala Phe Ile Arg Ile Val Ser Cys Cys Lys Cys Pro Asn Gly Asp Ser
139 140 141 142 143 144 145 146 147 148 149 150

Ala Gly Lys Phe Lys Arg Pro Ile Ile Pro Gly Met Glu Phe Ser Arg
151 152 153 154 155 156 157 158 159 160 161 162

Ser Lys Ser Asp Asn Ser Ser His Pro Gln Lys Asp Asp Gly Asp Asn
163 164 165 166 167 168 169 170 171 172 173 174

Pro Glu Thr Ile Met Ser Ser Gly Asn Val Asn Ser Ser Ser
175 176 177 178 179 180 181 182 183 184 185 186

CH10: 8
CH11: 1-7
CH12: 187

101-110: Phe Val Val Val Val

111-120: Phe Val

Met Val Ser Ser Thr Ser Ile Pro Val Val Lys Ala Leu Arg Ser Gin
1 3 5 7 9 11 13 15 17 19

Val Ser Arg Tyr Gly Asn Tyr Arg Ile Ile Val Arg His Tyr Asn Tyr
21 23 25 27 29 31 33 35 37 39 41 43

Thr Gly Lys Leu Asn Ile Gly Val Glu Lys Asp His Gly Ile Lys Leu
35 40 45

Thr Ser Val Val Phe Ile Leu Ile Cys Tyr Leu Ile Ile Leu Glu Asn
45 47 49 51 53 55 57 59 61 63 65

Ile Phe Val Leu Leu Thr Ile Trp Lys Thr Lys Lys Phe His Arg Pro
65 70 75 80

Met Tyr Tyr Phe Ile Gly Asn Leu Ala Leu Ser Asp Leu Leu Ala Gly
81 83 85 87 89 91 93 95 97 99 101

Val Ala Tyr Thr Ala Asn Leu Leu Leu Ser Gly Ala Thr Thr Tyr Lys
103 105 107 109 111 113 115 117 119 121 123

Leu Thr Pro Ala Gin Trp Phe Leu Arg Glu Gly Ser Met Phe Val Ala
125 128 130 132 134 136 138 140 142 144 146 148

Leu Ser Ala Ser Val Phe Ser Leu Leu Ala Ile Ala Ile Glu Arg Tyr
138 139 140 141 142 143 144 145 146 147 148 149

Ile Thr Met Leu Lys Met Lys Leu His Asn Gly Ser Asn Ser Ser Arg
145 150 155 160

Ser His Leu Leu Ile Ser Ala Tyr Arg Val Ile Ser Leu Ile Leu Gly
162 163 164 165 166 167 168 169 170 171 172 173

Gly Leu Pro Ile Met Gly Trp Asn Cys Ile Ser Ser Leu Ser Ser Cys
180 185 190

Ser Thr Val Leu Pro Leu Tyr His Lys His Tyr Ile Leu Phe Cys Thr
195 200 205

Thr Val Phe Thr Leu Leu Leu Leu Ser Ile Val Ile Leu Tyr Cys Arg
210 215 220

Ile Tyr Ser Leu Val Arg Thr Arg Ser Arg Arg Leu Thr Phe Arg Lys
225 230 235 240 245

Asn Ile Ser Lys Ala Ser Arg Ser Ser Glu Lys Ser Leu Ala Leu Leu
 245 246 247

Lys Thr Val Ile Ile Val Ser Ser Val Ile Ile Ala Lys Thr Ala Pro
 248 249

Leu Ile Lys Leu Leu Leu Leu Asp Val Gly Tyr Lys Ala Lys Thr Tyr
 250 251

Asp Ile Leu Tyr Lys Ala Glu Tyr Phe Leu Val Leu Ala Val Leu Asn
 252 253 254

Ser Gly Thr Asn Pro Ile Ile Tyr Thr Leu Thr Asn Lys Glu Met Arg
 255 256 257 258

Arg Ala Phe Ile Arg Ile Ile Ser Cys Cys Lys Cys Pro Asn Gly Asp
 259 260 261

Ser Ala Gly Lys Phe Lys Arg Ile Ile Ile Ile Gly Met Glu Phe Ser
 262 263

Arg Ser Lys Ser Asp Asn Ser Ser His Pro Glu Lys Asp Asp Gly Asp
 264 265 266

Asn Ile Ala Thr Ile Met Ser Ser Gly Asn Val Asn Ser Ser Ser
 267 268 269